

ФИО

Пол:

Жен

Возраст:

36 лет

ИНЗ:

999999999

Дата взятия образца:

17.03.2025 07:00

Дата поступления образца:

17.03.2025 16:49

Врач:

24.03.2025 16:49

Дата печати результата:

24.03.2025

Исследование	Результат	Единицы	Референсные значения	Комментарий
Метаболизм стероидных гормонов (генетика)	СМ.КОММ			Результат прилагается на отдельном бланке.

Внимание! В электронном экземпляре бланка название исследования содержит ссылку на страницу сайта с описанием исследования. www.invitro.ru

Результаты исследований не являются диагнозом, необходима консультация специалиста.



М.П. / Подпись врача

Результат исследования № 0000064682

ФИО:
Дата рождения: 25.04.1988
Пол:
Дата взятия биоматериала:
Дата регистрации:
Врач:



Номер образца: *0000000000*
Отделение / карта / ЛПУ: / /0054
Страховая компания: N/A
№ полиса:

Биоматериал: кровь

Исследование **Анализ полиморфизмов в генах, кодирующих рецепторы и ферменты метаболизма стероидных гормонов**

Фенотип **Нарушение метаболизма половых гормонов**

Результат:

Ген	Наименование гена	Вариант	Генотип	Биологическая функция	
AR	Андрогеновый рецептор	(CAG)n repeat	L	↓	25: Пониженная чувствительность рецепторов к андрогенам
SHBG	Глобулин, связывающий половые гормоны	(TAAAA)n repeat	L/S		8/10: Нормальная биодоступность стероидных гормонов
SRD5A2	Стероид-5-альфаредуктаза, альфа-2-полипептид	g.31580636G>C; c.265C>G	G/G		Нормальная активность фермента
CYP19A1	Ароматаза; Цитохром P450, семейство 19, подсемейство A, полипептид I;	g.51302775G>A; c.-39+35720C>T	G/G		Нормальная активность фермента
ESR1 (α)	Эстрогеновый рецептор 1 (альфа)	PvuII Polymorphism; c.453-397T>C	T/C	↑	Повышенная экспрессия рецептора
ESR2 (β)	Эстрогеновый рецептор 2 (бета)	g.64233098C>T; c.*39G>A	C/T	↓	Пониженная экспрессия рецептора
COMT	Катехол-О-метилтрансфераза	c.472G>A	G/G		Нормальная активность фермента
PGR	Прогестероновый рецептор	PROGINS; g.101062681C>A; c.1486G>T	C/C		Нормальная чувствительность рецепторов к прогестерону
FADS2	Десатураза жирных кислот 2	c.208-2713 208-2692del	Del/Del	↓↓	Низкая активность ферментов FADS1 и FADS2
PPARG	Рецептор гамма, активируемый пролифератором пероксисом	c.34C>G	C/G	↓	Сниженная активность рецепторов
CYP27B1	1α-гидроксилаза; Цитохром P450, семейство 27, подсемейство B, полипептид 1	g.57764205A>G; c.1137-29T>C	G/G		Нормальная активность 1-гидроксилазы
VDR	Рецептор витамина D	BsmI Polymorphism; NC_000012.12: g.47846052C>T	C/T		Нормальная чувствительность рецептора к витамину D
BCO1	Бета-каротин оксигеназа 1	c.1136C>T; p.Ala379Val; c.*760C>T	C/T	↓	Пониженная активность фермента

Заключение

AR((CAG)n repeat)

Ген AR кодирует белок - рецептор андрогенов. Микросателлитный полиморфизм (CAG)n repeat кодирует полиглутаминовый тракт на N-концевом участке белка AR. Удлинение полиглутаминового участка приводит к изменению пространственной структуры рецептора, что влияет на степень связывания с белками ко-активаторами и изменяет чувствительность рецептора к андрогенам. Выявленное число CAG повторов ($25; L \geq 23$) связано с пониженной чувствительностью к андрогенам. Уменьшение чувствительности рецепторов к андрогенам может быть связано с нарушением половой дифференциации у мужчин, проявлениями гипогонадизма, нарушением сперматогенеза (азооспермия, олигоспермия).

SHBG((TAAAA)n repeat)

Ген SHBG кодирует белок - глобулин, производимый печенью, связывающий половые гормоны (SHBG) и регулирующий биодоступность тестостерона и эстрадиола плазмы. Относительное сродство связывания различных половых стероидов с SHBG составляет дигидротестостерон (DHT) > тестостерон > андростендиол > эстрадиол > эстрон. Полиморфизм повторов (TAAAA)n в области, регулирующей экспрессию гена, влияет на активность синтеза белка SHBG и изменение биодоступности стероидных гормонов. Выявленный генотип (8/10; L/S) связан с нормальной активностью гена и нормальной биодоступностью стероидных гормонов.

SRD5A2(g.31580636G>C; c.265C>G)

Ген SRD5A2 кодирует белок стероид-5-альфаредуктазу - ключевой фермент метаболизма тестостерона. Этот фермент преобразует тестостерон в дигидротестостерон, который в 10 раз активнее тестостерона. Метаболизирует прогестерон, превращая его в 5α -дигидропрогестерон (DHP), участвует в образовании нейростероидов аллопрегнанолона (метаболит прогестерона) и тетрагидродеоксикортикостерона, проявляющих активность через ГАМК-А рецептор в мозге. Фермент SRD5a производится во многих тканях мужчин и женщин, особенно в репродуктивном тракте, в коже (в том числе в волосных фолликулах), в семенных пузырьках, в простате, а также в нервной системе. Вариант c.265C>G гена SRD5A2 связан с изменением активности фермента и изменением концентрации дегидротестостерона. Нормальная активность этого фермента необходима для функционирования предстательной железы и нормального сперматогенеза у мужчин. Выявленный генотип G/G варианта c.265C>G гена SRD5A2 связан с нормальной активностью фермента 5-альфаредуктазы.

CYP19A1(g.51302775G>A;
39+35720C>T)

с.- Ген CYP19A1 кодирует ключевой фермент (ароматазу), необходимый для биосинтеза эстрогенов. Ароматаза катализирует превращение тестостерона в эстрадиол и андростендиона в эстрон в периферических тканях. Таким образом, ароматаза представляет собой фермент, отвечающий за периферическую конверсию андрогенов в эстрогены. Вариант NC_000015.10:g.51302775G>A гена CYP19A1 ассоциирован с изменением активности фермента. Выявленный генотип G/G варианта NC_000015.10:g.51302775G>A гена CYP19A1 связан с нормальной активностью фермента ароматазы.

ESR1 (α)(PvuII Polymorphism; c.453-397T>C)

Ген ESR1 кодирует эстрогеновый рецептор типа альфа - лиганд-активируемый фактор транскрипции. В ответ на действие эстрогенов альфа рецепторы запускают активность генов, обеспечивающих специфический ответ тканей-мишеней на эстрогены. Через рецепторы типа альфа эстрогены запускают клеточную пролиферацию, регулируют минеральную плотность костей и обмен глюкозы. Эстрон (E1) обладает наибольшим сродством к основному эстрогеновому рецептору ER- α , другие гормоны являются более слабыми агонистами. Эстрадиол в равной степени может взаимодействовать с обоими типами рецепторов ER- α и ER- β . Вариант c.453-397T>C гена ESR1 связан с изменением уровня экспрессии рецептора. Выявленный генотип T/C варианта c.453-397T>C гена ESR1 связан с повышенной экспрессией рецептора и повышенной чувствительностью рецепторов эстрогенов типа альфа. Генотип ассоциирован с повышенной минеральной плотностью костей, повышенной чувствительностью к инсулину, повышенной толерантностью к глюкозе, без накопления жира, увеличенным пролиферативным ответом гормонозависимых тканей на эстрогены.

ESR2 (β)(g.64233098C>T; c.*39G>A)

Ген ESR2 кодирует эстрогеновый рецептор типа бета - лиганд-активируемый фактор транскрипции. В ответ на действие эстрогенов бета рецепторы запускают активность генов, обеспечивающих специфический ответ тканей-мишеней. Через рецепторы типа бета осуществляется контроль клеточной пролиферации, регулируется обмен глюкозы, осуществляется модуляция уровня нейромедиаторов (количество дофамина, серотонина) в мозге. Через бета рецепторы эстрогены проявляют эффект снижения тревожности, повышения нейропластичности в ЦНС. Ключевую роль бета рецепторы играют в развитии и созревании фолликулов в яичниках. Эстриол (E3) обладает наибольшим сродством к эстрогеновому рецептору ER- β , другие гормоны являются более слабыми агонистами. Вариант NC_000014.9:g.64233098C>T гена ESR2 связан с изменением уровня экспрессии рецептора и изменением чувствительности рецепторов. Выявленный генотип C/T варианта NC_000014.9:g.64233098C>T гена ESR2 связан со сниженным уровнем экспрессии гена ESR2 и сниженной чувствительностью рецепторов эстрогенов типа бета, повышенным риском развития невынашивания и осложнений беременности.

COMT(c.472G>A)

Ген COMT кодирует белок катехол-О-метилтрансферазу — цитозольный фермент, катализирующий реакцию дезактивации катехоламинов (дофамина, адреналина, норадреналина) и катехолэстрогенов (2-ОН-E2/E1, 4-ОН-E2/E1) путем передачи метильной группы от коэнзима S-аденозил-L-метионина к одной из гидроксильных групп катехинов в присутствии магния. Активность COMT достаточно высока в молочной железе, эндометрии, печени, почках, эритроцитах, а также в некоторых других органах. В процессе метаболизма 1 фазы детоксикации эстрогенов происходит образование гидроксильных форм эстрогенов (2-ОН-E2/E1, 4-ОН-E2/E1), которые способны связываться с рецепторами эстрогенов и активировать их. Кроме того, гидрокси-эстрогены могут преобразовываться в семихиноны и их производные, которые индуцируют образование свободных радикалов, включая супероксидный анион и перекиси липидов, что приводит к окислительному стрессу и повреждению ДНК. Выявленный генотип G/G варианта c.472G>A гена COMT связан с нормальной активностью фермента.

PGR(PROGINS; c.1486G>T)	g.101062681C>A;	Ген PGR кодирует прогестероновый рецептор - лиганд-зависимый фактор транскрипции, имеющий 2 изоформы - RP-A и PR-B, кодируемые одним геном - PGR. Рецепторы прогестерона представлены во многих тканях, особенно важно их значение в репродуктивном тракте, молочной железе и центральной нервной системе. Вариант NC_000011.10:g.101062681C>A гена PGR приводит к изменению чувствительности рецептора к прогестерону вследствие нарушения процессов связывания лиганда обеими изоформами рецептора. Выявленный генотип C/C варианта NC_000011.10:g.101062681C>A гена PGR связан с нормальной чувствительностью рецептора к прогестерону.
FADS2(c.208-2713 208-2692del)		Гены FADS1 и FADS2 кодируют десатуразы жирных кислот, которые представляет собой ферменты 5 и 6 десатуразы жирных кислот (delta-5, delta-6 desaturase), участвующие в синтезе «длинных» полиненасыщенных жирных кислот, в том числе арахидоновой, эйкозапентаеновой, докозагексаеновой (20:4n-6 ARA, 20:5n-3 DHA, 22:6n-3 EPA) из «коротких» предшественников - линолевой и альфа-линоленовой кислот, поступающих с пищей. Вариант c.208-2735_208-2692del находится в некодирующей регуляторной области, рядом с геном FADS2 и влияет на активность обеих десатураз (FADS1 и FADS2) - ферментов 5 и 6 десатураз жирных кислот. Выявленный генотип Del/Del варианта c.208-2713_208-2692del гена FADS2 связан со сниженной активностью ферментов FADS1 и FADS2. Медленные десатураторы (группа с пониженной активностью ферментов FADS) отличается преобладанием предшественников длинноцепочечных полиненасыщенных жирных кислот ЛК и альфа-ЛК над продуктами (20:4n-6 ARA, 20:5n-3 DHA, 22:6n-3 EPA). Эта группа не способна к эффективному синтезу активных ДЦЖК из предшественников, поступающих с пищей, и нуждается в повышенной коррекции через прием Омега-3 жирных кислот.
PPARG(c.34C>G)		Ген PPARG (PPAR-γ) кодирует важный ядерный транскрипционный фактор, участвующий в регуляции углеводного и жирового обмена, а также стероидогенеза яичников. Активация гена PPARG увеличивает выработку ЖК из хиломикронов и ЛПОНП в жировой ткани, запускает экспрессию генов транспорта ЖК, генов фактора некроза опухоли α, лептина, резистина, адипонектина и ингибитора активатора плазминогена-1, играющих ключевую роль в развитии инсулинорезистентности (ИР) и хронического воспаления в тканях. В печени PPARG увеличивает экспрессию генов транспорта и поглощения липидов, ингибирует гены глюконеогенеза: пируватдегидрогеназу и фосфоенолпируваткарбоксикиназу. PPAR-γ участвует в снижении уровня триглицеридов, оказывает антипролиферативное действие и улучшает функцию эндотелия. Низкий уровень адипонектина рассматривается как важнейший фактор риска развития инсулинорезистентности, ожирения, МС, сердечно-сосудистого риска. Натуральными лигандами PPAR-γ являются нативные и окисленные НЖК, такие как: олеиновая, линоленовая, эйкозапентаеновая, докозагексаеновая и арахидоновая. Простагландины G2 и 15d-PGJ2 являются наиболее мощными природными лигандами PPAR-γ. Активность PPARG также зависит от соотношения насыщенных и ненасыщенных жиров в рационе и уровня физической активности организма. Вариант c.34C>G ассоциирован с изменением активности рецепторов PPARG. Выявленный генотип C/G варианта c.34C>G гена PPARG связан со снижением активности рецепторов PPARG. Генотип ассоциирован со снижением риска развития метаболического синдрома, диабета 2 типа, повышением чувствительности к инсулину в жировой и мышечной тканях, а также снижением риска развития синдрома поликистозных яичников.

CYP27B1(g.57764205A>G; 29T>C) с.1137- Ген CYP27B1 кодирует член суперсемейства ферментов цитохрома P450. Белок, кодируемый этим геном участвует в метаболизме витамина D - катализирует вторую реакцию гидроксилирования провитамина 25(OH)D в почках и внутриклеточно, с образованием активной формы 1,25-0H2-D3 (кальцитриол). Кальцитриол связывается с рецептором витамина D и запускает биологический ответ на витамин D, активируя более 2500 генов. Активная форма витамина D (1,25-0H2-D3 (кальцитриол)) проявляет широкий спектр биологической активности в тканях-мишенях: метаболизм кальция; влияние на пролиферацию и дифференцировку; модулирование нейромедиаторов и неврологической функции; регуляция иммунной функции для снижения воспаления, уменьшение аутоиммунитета, снижения риска онкологии и инфекций; участие в метаболизме глюкозы; снижение перекисного окисления липидов. Вариант NC_000012.12:g.57764205A>G гена CYP27B1 ассоциирован с изменением активности фермента. Выявленный генотип G/G варианта NC_000012.12:g.57764205A>G гена CYP27B1 гена CYP27B1 связан с нормальной активностью фермента CYP27B1.

VDR(BsmI Polymorphism; NC_000012.12: g.47846052C>T) Ген VDR кодирует ядерный гормональный рецептор витамина D3. Рецептор витамина D (VDR) обнаружен практически во всех клетках и тканях человека. Активная форма витамина D (1,25-0H2-D3 (кальцитриол)) проявляет широкий спектр биологической активности в тканях-мишенях: метаболизм кальция; влияние на пролиферацию и дифференцировку; модулирование нейромедиаторов и неврологической функции; регуляция иммунной функции для снижения воспаления, уменьшение аутоиммунитета, снижения риска онкологии и инфекций; участие в метаболизме глюкозы; снижение перекисного окисления липидов. Все эти функции активная форма витамина D реализует через ядерный рецептор, кодируемый геном VDR. Вариант BsmI влияет на стабильность белка VDR. Выявленный генотип C/T варианта BsmI гена VDR связан с нормальной стабильностью белка VDR и нормальным количеством рецепторов к витамину D.

BCO1(c.1136C>T; с.*760C>T) p.Ala379Val; Ген BCO1 кодирует фермент β -каротин монооксигеназу 1, который является ключевым ферментом в метаболизме витамина А. При всасывании β - каротиноиды провитамина А преобразуются в витамин А с помощью BCO1, который экспрессируется в энтероцитах слизистой оболочки кишечника. Вариант с.1136C>T гена BCO1 ассоциирован с изменением активности фермента, что может привести к дефициту витамина А. Более выраженный эффект варианта наблюдается при компаунд-гетерозиготном носительстве с.801A>T и с.1136C>T полиморфизмов. Выявленный генотип C/T варианта с.1136C>T гена BCO1 связан с пониженной активностью фермента.

Ген **AR** Андрогеновый рецептор
Функция гена Андрогеновый рецептор (также известный как рецептор дигидротестостерона) является ядерным гормональным рецептором класса NR3C, который включает в себя также рецепторы к минералокортикоидам, прогестерону и глюкокортикоидам. Андрогеновый рецептор экспрессируется в костном мозге, молочных железах, предстательной железе, семенниках и мышечной ткани, где он существует в виде димеров, связанных с белками Hsp90 и HMGb, которые влияют на взаимодействие рецептора с лигандами. Активированный рецептор связывается с геномными элементами ответа, а именно с инвертированной палиндромной последовательностью, регулируя, таким образом, транскрипцию ряда генов. Другой путь влияния на экспрессию - взаимодействие андрогенового рецептора с факторами транскрипции, в том числе AP-1, NF-карбаВ и STAT. Андрогеновый рецептор регулирует работу инсулиноподобного фактора роста-1 (IGF-1) и генов, ответственных за развитие первичных и вторичных мужских половых признаков, поддержание половой функции и агрессивное поведение.

Ген	BCO1 Бета-каротин оксигеназа 1
Функция гена	Ген BCO1 кодирует фермент бета-каротин оксигеназу 1. Это ключевой фермент метаболизма бета-каротина в витамин А, он расщепляет бета-каротин на 2 молекулы ретинала. Витамин А важен для многих процессов, происходящих в организме, таких как зрение, эмбриональное развитие, дифференцировка клеток, защита мембран и кожи.
Ген	COMT Катехол-О-метилтрансфераза
Функция гена	Ген COMT расположен на длинном плече 22 хромосомы в регионе 22q11.21, включает в себя 8 экзонов. Ген COMT кодирует фермент катехол-О-метилтрансферазу. Существует две формы этого фермента. Более длинная форма, связанная с мембраной катехол-О-метилтрансфераза, в основном производится нервными клетками мозга. Другие ткани, такие как печень, почки и кровь, производят более короткую форму фермента - растворимую катехол-О-метилтрансферазу. Эта форма помогает контролировать уровень некоторых видов гормонов. В мозге катехол-О-метилтрансфераза катализирует первую стадию деградации катехоламинов (нейромедиаторов - дофамина, адреналина, норадреналина) путем переноса метильной группы с S-аденозилметионина на гидроксильную группу катехоламинов. Катехол-О-метилтрансфераза особенно важна в префронтальной коре головного мозга, которая организует и координирует информацию из других частей мозга. Этот участок играет важную роль в планировании, ингибировании некоторых видов поведения, абстрактном мышлении, эмоциях и краткосрочной памяти. Для нормального функционирования префронтальной коры необходимы нейротрансмиттеры. COMT помогает поддерживать их количество на необходимом уровне.
Ген	CYP19A1 Ароматаза; Цитохром P450, семейство 19, подсемейство A, полипептид I;
Функция гена	Ген CYP19A1 кодирует фермент, относящийся к суперсемейству цитохромов P450, которые представляют собой монооксигеназы, катализирующие многие реакции, в том числе, связанные с метаболизмом лекарственных средств и синтезом холестерина, стероидных гормонов и других липидов. Белок CYP19A1 локализуется в эндоплазматическом ретикулуме и катализирует последние стадии биосинтеза эстрогенов. Мутации в этом гене могут приводить к увеличению или уменьшению активности ароматазы, что влияет на функции эстрогенов и как половых гормонов, и как регуляторов роста и дифференцировки клеток. С функционированием данного гена связаны такие сигнальные пути, как комплексный сигнальный путь рака молочной железы и стероидогенеза в яичниках.
Ген	CYP27B1 1 α -гидроксилаза; Цитохром P450, семейство 27, подсемейство B, полипептид 1
Функция гена	Этот ген кодирует член суперсемейства ферментов цитохрома P450. Белки цитохрома P450 представляют собой монооксигеназы, которые катализируют многие реакции, участвующие в метаболизме лекарств и синтезе холестерина, стероидов и других липидов. Белок, кодируемый этим геном, локализуется на внутренней митохондриальной мембране, где он гидроксилирует 25-гидроксивитамин D3 в положении 1 α . В ходе этой реакции синтезируется 1 α , 25-дигидроксивитамин D3, активная форма витамина D3, которая связывается с рецептором витамина D и регулирует метаболизм кальция. Таким образом, этот фермент регулирует уровень биологически активного витамина D и играет важную роль в гомеостазе кальция. Мутации в этом гене могут привести к витамин D-зависимому рахиту типа I.
Ген	ESR1 (α) Эстрогеновый рецептор 1 (альфа)
Функция гена	Ген ESR1 кодирует эстрогеновый рецептор - лиганд-активируемый фактор транскрипции, состоящий из нескольких доменов, важных для связывания гормонов, связывания ДНК и активации транскрипции. Белок ESR1 локализуется в ядре, где он может образовывать гомодимеры или гетеродимеры с эстрогеновым рецептором 2. Оба рецептора весьма гомологичны, особенно в доменах связывания ДНК и связывания лиганда. Различия выражены на N-концах белков, в доменах трансактивации. Оба рецептора взаимодействуют с одинаковыми участками ДНК и показывают аналогичную картину связывания лигандов. После взаимодействия с лигандом эстрогеновые рецепторы претерпевают конформационные изменения спонтанной димеризации с образованием гомо и/или гетеродимеров. Димеризованный рецептор связывается с элементом ответа в промоторных областях генов-мишеней, которые присутствуют в широком спектре тканей человеческого организма.
Ген	ESR2 (β) Эстрогеновый рецептор 2 (бета)
Функция гена	Ген ESR2 кодирует член семейства рецепторов эстрогена и надсемейства факторов транскрипции ядерных рецепторов. Продукт гена содержит N-концевую ДНК-связывающую область и C-концевой лиганд-связывающий домен и локализуется в ядре, цитоплазме и митохондриях. При связывании с 17-бета-эстрадиолом или родственными лигандами кодируемый белок образует гомо- или гетеродимеры, которые взаимодействуют со специфическими последовательностями ДНК для активации транскрипции.

Ген	FADS2 Десатураза жирных кислот 2
Функция гена	FADS2 кодирует десатуразу жирных кислот 2, которая представляет собой фермент 6 десатураза жирных кислот (delta-6 desaturase (D6D)), участвующий в синтезе «длинных» полиненасыщенных жирных кислот из «коротких» предшественников. При участии FADS2 из 18:3 ω 3 образуется 18:4 ω 3, которая под действием ELOVL5 превращается в 20:4 ω 3. Аналогичные превращения происходят при биосинтезе ω 6 докозапентаеновой кислоты (22:5 ω 6) в гепатоцитах. Полиморфизмы в этом гене могут влиять на эффективность эндогенной переработки полиненасыщенных жирных кислот.
Ген	PGR Прогестероновый рецептор
Функция гена	Ген PGR кодирует ген прогестеронового рецептора - лиганд-зависимого фактора транскрипции, имеющего 2 формы - PRA и PRB. PRA и PRB опосредуют разный эффект прогестерона, зависящий от типа ткани: PRB требуется для нормального развития молочных желез, а PRA – для правильного развития матки и поддержания репродуктивной функции. Дефекты в этом гене связаны с резистентностью к прогестерону.
Ген	PPARG Рецептор гамма, активируемый пролифератором пероксисом
Функция гена	Ген PPARG кодирует транскрипционный фактор гамма-рецептора, активируемый пролифераторами пероксисом (PPAR-gamma) семейства факторов транскрипции PPARs. PPAR's выступают как универсальный защитный механизм, противодействующий патогенному влиянию на сосуды стрессорных факторов окружающей и внутренней среды. PPAR's активируют транскрипцию множества генов, участвующих в адипогенезе, окислении углеводов, поглощении тканями свободных жирных кислот и других процессах углеводного, липидного обмена и энергетического гомеостаза. PPAR- γ наиболее широко распространены в белой и бурой жировой ткани, макрофагах, эндотелии сосудов, толстой кишке и селезенке, а также в скелетной и сердечной мышце, печени, мочевом пузыре. Продукт этого гена является основным фактором регуляции дифференцировки адипоцитов, а также способствует экспрессии белка, транспортирующего жирные кислоты, повышает экспрессию и активность ацетил-КоА-синтазы, фосфатидилинозитол-3-киназы, увеличивает экспрессию гена адипонектина, транспортера глюкозы, подавляет экспрессию гена лептина, ингибирует экспрессию в жировой ткани фактора некроза опухоли альфа, что сопровождается снижением риска развития инсулинорезистентности и улучшением секреции инсулина бета-клетками.
Ген	SHBG Глобулин, связывающий половые гормоны
Функция гена	Ген SHBG кодирует гликопротеин, который специфически связывает половые гормоны (тестостерон, эстрадиол, прогестерон и др.), снижая их биологическую активность. Глобулин состоит из двух идентичных субъединиц и содержит один участок связывания стероидных гормонов. Его выработка осуществляется преимущественно клетками печени и выделение зависит от многих факторов. Стероидсвязывающий белок участвует в транспортировке половых гормонов в плазме крови и его концентрация является фактором активности половых гормонов. Также глобулин защищает тестостерон и эстрадиол от метаболической инактивации, выполняя депонирующую функцию, специфичен для 5-альфа-дигидротестостерона, тестостерона и 17-бета-эстрадиола.
Ген	SRD5A2 Стероид-5-альфаредуктаза, альфа-2-полипептид
Функция гена	Ген SRD5A2, расположенный в локусе 2p23, кодирует белок стероид-5-альфаредуктазу II типа - ключевой фермент метаболизма тестостерона. Этот фермент относится к никотинамидадениндинуклеотидгидрогенфосфат (НАДФН)-зависимым ферментам и преобразует тестостерон в дигидротестостерон ((DHT; ДГТ), который в 10 раз активнее своего предшественника. SRD5A2 представлен в тканях предстательной железы, семенных пузырьках, коже. Данный фермент необходим для поддержания активности, функционирования и роста предстательной железы, нормального сперматогенеза.
Ген	VDR Рецептор витамина D
Функция гена	Ген VDR кодирует ядерный гормональный рецептор витамина D3, который также функционирует в качестве рецептора для вторичной желчной кислоты – литохолевой кислоты. Рецептор принадлежит к семейству транс-активных регуляторных факторов транскрипции - опосредует действие витамина D3, контролируя (через ассоциацию с WINAC-комплексом) экспрессию генов, чувствительных к гормонам. По своей последовательности имеет сходство с рецепторами стероидных и тиреоидных гормонов. Мишени этого ядерного гормонального рецептора участвуют, в минеральном обмене - играет центральную роль в гомеостазе кальция. Кроме того, рецептор регулирует целый ряд других метаболических путей, например, задействованные в иммунном ответе и раке. Мутации в гене VDR связаны со II типом витамин D-резистентного рахита. Однонуклеотидный полиморфизм в старт-кодоне приводит к смещению инициаторного кодона на три кодона от начала.

Дата

Врач-генетик

Подпись: